

JOURNEE ACHRO-PUCE

Mercredi 18 novembre



Accueil des participants sur l'interface web à partir de 9h45, *Valérie Malan (Necker, Paris)*

10h00-10h25	Bilan des centres du réseau Achropuce, <i>Sylvie Jaillard (Rennes)</i>
10h25-10h30	Société Enzo, CYTAG SuperCGH Labeling Kit : quoi de neuf ? <i>Elie El Hachem</i>
10h30-11h15	Actualisation du guide des bonnes pratiques « interprétation des CNV », <i>Matthieu Egloff (Poitiers) et Céline Pebrel Richard (Clermont-Ferrand)</i>
11h15-12h30	CNV qui posent des problèmes d'interprétation : 16p13 <i>Céline Pebrel Richard (Clermont-Ferrand)</i> , 15q13 <i>Serge Romana (Necker, Paris)</i> , <i>Geoffroy Delplancq (Necker, Paris)</i> , 1q21 <i>Matthieu Egloff (Poitiers)</i> , 2p16 <i>Noémie Celton (Tours)</i>
12h30-14h	Déjeuner
14h-14h25	Bilan des EEQ ACPA, <i>Jean-Michel Dupont (Cochin, Paris)</i> , <i>Martine Doco-Fenzy (Reims)</i>
14h25-14h30	Société Agilent, Nouvelles lames CGH array pour analyse pré- et post-natal <i>Roubila Meziani (Spécialiste Produits Génomique)</i>
14h30-14h50	Perspectives de la base de données BANCCO, <i>Frederic Bilan (Poitiers)</i> , <i>Christophe Beroud (Marseille)</i>
14h50-15h05	ACPA et contamination maternelle en anténatal : que doit-on faire ? <i>Gaëlle Vieville (Grenoble)</i>
15h05-15h20	CGH array sur cellule unique : l'exemple de l'ovocyte, <i>Jean-Michel Lapierre (Necker, Paris)</i> , <i>Jean-Philippe Wolf (Cochin, Paris)</i>
15h20-15h40	Détection des CNV par SHD de génome, <i>Patrick Nitschké (IHU Imagine, Necker)</i> , <i>Emmanuelle Ollivier (IHU Imagine, Necker)</i> , <i>Marion Lesieur (Necker, Paris)</i>
15h40-15h55	Détection des CNV par la technologie de cartographie optique du génome (Bionano) <i>Laila El Khattabi (Cochin, Paris)</i>
15h55-16h10	Aide à l'interprétation des CNV : CNVexplorer et CNVscores, <i>Antonio Rausell (IHU Imagine, Paris)</i>
16h10-16h30	Place du cytogénéticien dans les plateformes Auragen et SeqOIA : phase post-analytique des données, <i>Andrée Delahaye (Jean Verdier, Bondy)</i> , <i>Damien Sanlaville (Lyon)</i>
16h30-16h45	Quels agréments pour interpréter les CNV à partir des données de SHD de génome issues d'Auragen et SeqOIA ? <i>François Vialard (président de l'ACLF, Poissy)</i> , <i>Martine Doco-Fenzy (ex-présidente de l'ACLF, Reims)</i> , <i>Pascale Levy (ABM)</i>
16h45-16h50	Site Achro-Puce http://acpa-achropuce.com , <i>Valérie Malan (Necker, Paris)</i>
16h50-17h	Conclusion, <i>Valérie Malan (Necker, Paris)</i>
17h	Fin de la journée